



Estación de Trabajo Cromatográfico



PC/Chrom es un paquete de software completo que se integra a su detector CG (Cromatografía de gases) o HPLC (Cromatografía líquida de alta presión) a su computadora personal o a un servidor de la red corporativa. PC/Chrom lee la señal de salida análoga del detector, digitaliza la señal, muestra el cromatograma y procesa los datos de acuerdo a las especificaciones del operador para producir un informe final que puede ser impreso. Todo el hardware y el software están incluidos en el paquete del PC/Chrom, incluyendo los componentes electrónicos y cables del detector.

Colección de Datos

Hardware

- Interfaz Ethernet para Computadora Personal (TCP/IP)
- 1 a 4 canales independientes basados en tiempo por computadora
- Convertidor análogo a digital de alta resolución de 24 bits
- Captura con rapidez de 4,8,16, y 32 datos por segundo (Hz)
- Puede iniciar la captura de datos con la señal TTL (Logística transistor a transistor), por medio del cierre de contacto o desde el teclado.
- Apoyo de eventos resultantes TTL (Logística transistor a transistor)
- Protegido dentro de una caja robusta.

Software

- Windows 2000, XP, y permite el uso de Vista
- La colección de datos puede ser iniciada en segundos después de comenzar a correr PC/Chrom, usando los parámetros originales o parámetros almacenados.
- PC/Chrom crea carpetas únicas para cada grupo de datos Cromatográficos, simplificando la organización del disco.
- Cada cromatograma se almacena dentro de un archivo individual dentro de la carpeta especificada.
- Integración automática de picos y determinación de concentraciones de muestras desconocidas.

Desarrollado para profesionales farmacéuticos, por profesionales farmacéuticos.

Análisis de Datos

Integración de picos

- La tabla de Función de Tiempo maneja la integración automática de picos. Por lo tanto, tiene capacidad para dibujar perpendiculares, tangentes, pre-tangentes y agrupar picos. La integración automática de los picos puede ser activada o desactivada en cualquier momento durante el cromatograma.
- La reintegración de los cromatogramas es posible manualmente o en modo grupal.
- La reintegración grupal permite al usuario, con el toque de una tecla, reintegrar una secuencia entera de cromatogramas de acuerdo a una Tabla de Función de Tiempo actualizada.
- La reintegración manual permite al operador seleccionar el tiempo de inicio del pico y el tiempo de pausa accionando el ratón.

Cálculos

- Permite cálculos de área y/o altura.
- Permite cálculos de estándar Interno.
- Los factores de respuesta pueden ser ingresados para especificar las calibraciones basadas en estándares que no están presentes en la solución estándar.
- Los picos que no están calibrados pueden ser cuantificados usando un estándar especificado.
- Estándares de un solo nivel, promediados o no, pueden ser usados para calcular las concentraciones de muestras.
- También se pueden usar estándares de múltiples niveles, usando hasta diez niveles de concentraciones estándares.

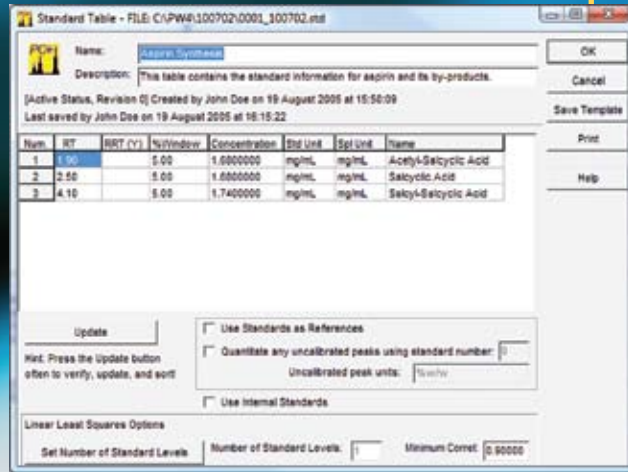
Informes

- Capacidades generales de informes completos, incluyendo impresoras, archivos de ASCII y de hojas de cálculo.
- Además del informe cromatográfico estándar otras alternativas para visualizar son:
 - Alternando los picos de gris oscuro y claro
 - Dibujos de la asimetría de los picos y de las líneas de media altura dentro de los picos
- Los picos del cromatograma pueden ser rotulados por el usuario con combinaciones de:
 - Altura del pico
 - Nombre del pico
 - Área del pico
 - Tiempo de Retención
 - Tiempo de Retención relativo
 - Número del pico

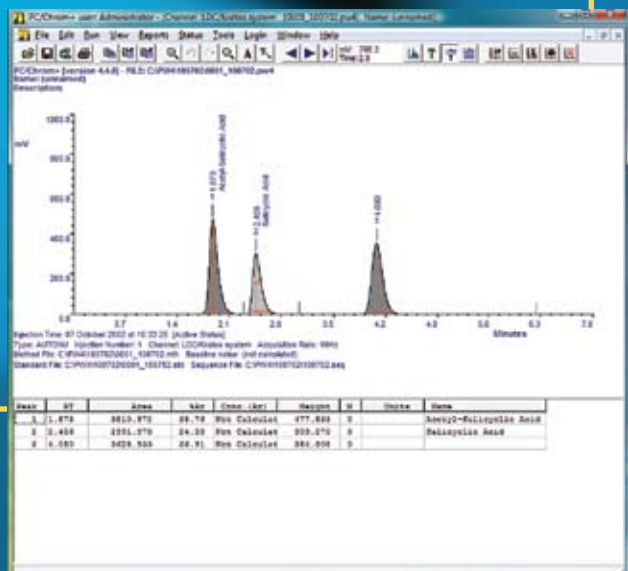
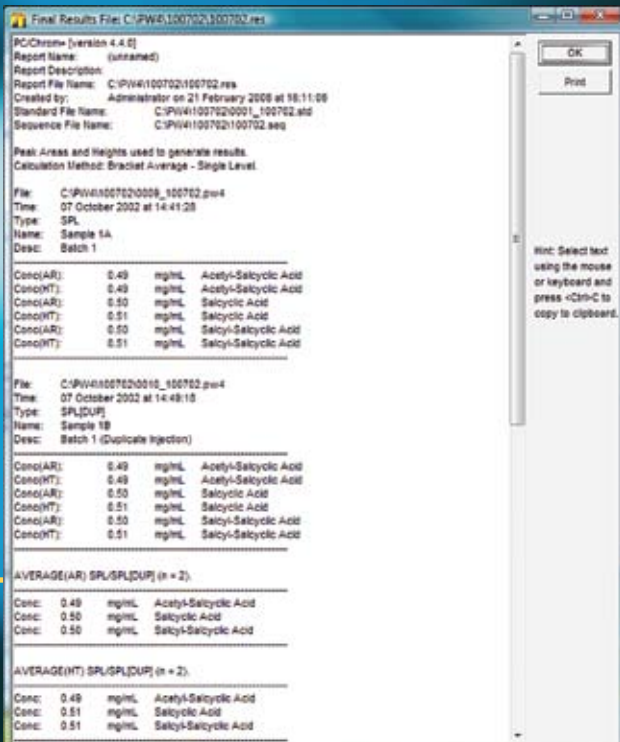
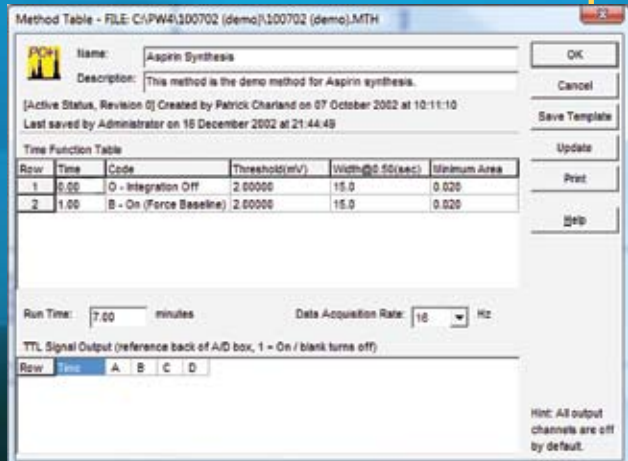
Informes

- El reporte personalizado de la cromatografía puede incluir:
 - Tiempo de Retención y/o Tiempo de Retención relativo
 - Area y/o porcentaje (%) de área
 - Altura y/o porcentaje (%) de altura
 - Ancho del pico a media altura
 - Cola del pico a cinco por ciento de altura
 - Número de platos teóricos
 - Altura equivalente de platos teóricos
 - Número de platos teóricos por metro
 - Resolución del pico
 - Unidades de concentración del pico
 - Nombre del pico

Método (Tabla en Función de Tiempo) para el uso de integración automática de picos



Hasta 75 estándares pueden ser almacenados en la tabla de estándares. Cada uno de los 75 estándares puede contener 10 niveles de concentraciones para el uso en las curvas de calibraciones de niveles múltiples. Estándares internos múltiples pueden ser especificados por cromatograma.



También permite cálculos de Electroforesis capilar.

Sequence - FILE: C:\PW4\100702\100702.seq

Name: Asprin Synthesis
Description: This table is the sequence for Asprin and its by-products.
[Active Status, Revision 1] Created by Patrick Charland on 07 October 2002 at 10:12:27
Last saved by John Doe on 18 December 2002 at 21:41:23

Row	File Name	Name	Type	Method	Run#1(Vol)	Clvl#1(Vol)	Mu#2	Clvl#2	Int.Std.Ratio	Description	M
1	C:\PW4\100702\0001_100702.gwd	Equilibrating	IGNORE	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	Ignore injection, column was equilibrating.	-
2	C:\PW4\100702\0002_100702.gwd	Equilibrating	IGNORE	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	Ignore injection, column was equilibrating.	-
3	C:\PW4\100702\0003_100702.gwd	System Solut	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	System Suitability Injection #1	-
4	C:\PW4\100702\0004_100702.gwd	SS Injection 2	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	System Suitability Injection #2	-
5	C:\PW4\100702\0005_100702.gwd	SS Injection 3	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	System Suitability Injection #3	-
6	C:\PW4\100702\0006_100702.gwd	SS Injection 4	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	System Suitability Injection #4	-
7	C:\PW4\100702\0007_100702.gwd	SS Injection 5	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	System Suitability Injection #5	-
8	C:\PW4\100702\0008_100702.gwd	Standard	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	Standard Injection	-
9	C:\PW4\100702\0009_100702.gwd	Sample 1A	SPL	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	Batch 1	-
10	C:\PW4\100702\0010_100702.gwd	Sample 1B	SPL[DU]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	Batch 1 (Duplicate injection)	-
11	C:\PW4\100702\0011_100702.gwd	Injecte Standar	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	Standard Injection	-
12	C:\PW4\100702\0012_100702.gwd	Sample 2A	SPL	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	Batch 2	-
13	C:\PW4\100702\0013_100702.gwd	Sample 2B	SPL[DU]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	Batch 2 (Duplicate injection)	-
14	C:\PW4\100702\0014_100702.gwd	Final Standard	STD[A]	C:\PW4\100702\0001_100702.seq	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	Standard Injection	-

Update: Integrate, Apply Standards Only
Type of Calculation: Bracket Average - Single Level
Column Entry: Calculate Report

La secuencia de inyección puede ser construida antes o después de ejecutar el cromatograma. Si está construida antes de ejecutar el cromatograma, estos son rotulados adecuadamente y las concentraciones de muestras desconocidas son calculadas en tiempo real. La secuencia de inyección también puede ser construida después de ejecutar el cromatograma., permitiendo calcular las concentraciones al final de la cromatografía.

Características Adicionales

- La viabilidad del Sistema puede ser determinada usando;
 - Tiempo de retención
 - Area de picos
 - Altura de picos
 - Cola de picos
- Permite la superposición de los cromatogramas.
- Los cromatogramas pueden ser ampliados en la porción apropiada del cromatograma.
- Los archivos de los datos del cromatograma pueden ser convertidos a archivos ASCII para ser exportados a otros programas.
- Permite trabajar el formato de archivos de La Asociación de Instrumentos Analíticos (AIA) netCDF. Estos archivos de PC/Chrom se pueden convertir a formato Estándar para su uso en otros programas.
- Registros Electrónicos— registros de auditoría y protección con contraseña

System Suitability
PC/Chrome [version 4.4.0]
Report created by Administrator on 21 February 2008 at 11:09:49

SYSTEM SUITABILITY REPORT
Peak Areas

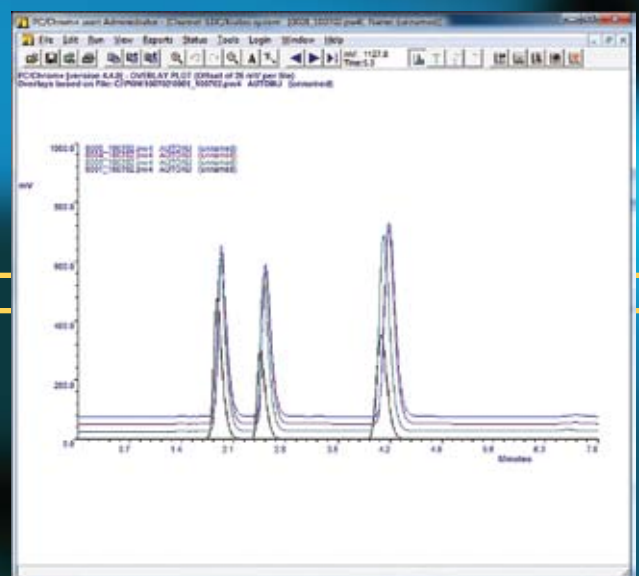
Data Directory: C:\PW4\100702*.gwd

File Name	Chromatogram Name
0004_100702	(unnamed)
0004_100702	(unnamed)
0004_100702	(unnamed)

Standard File : C:\PW4\100702\0001_100702.seq

#	Standard Name
1	Acetyl-Salicylic Acid
2	Salicylic Acid
3	Salicyl-Salicylic Acid

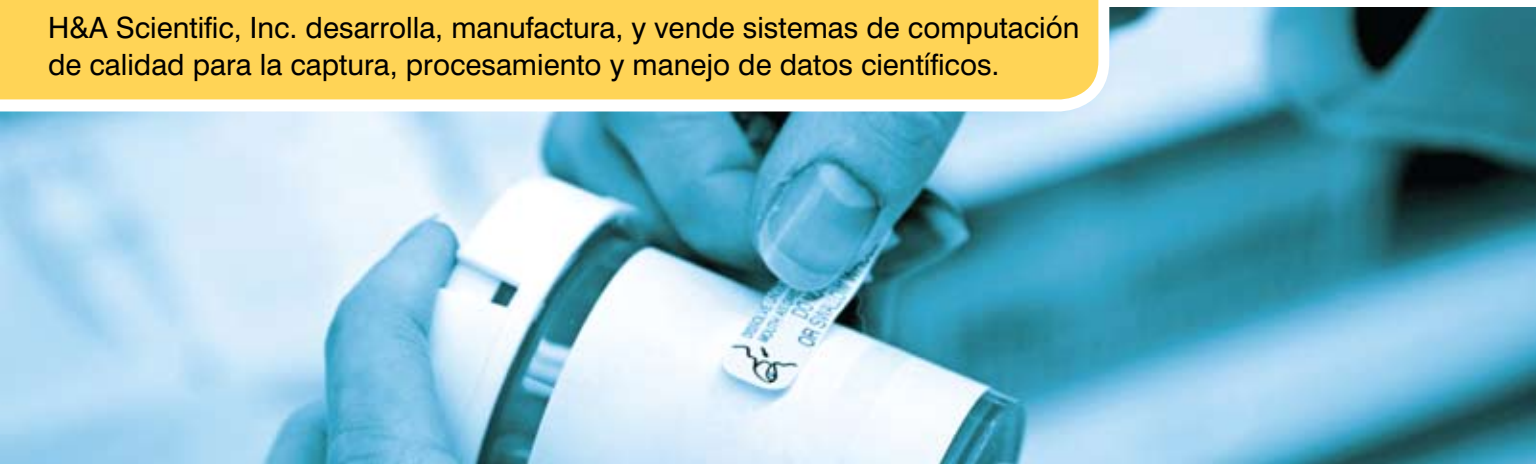
Standard #:	1	2	3	
File Name	0004_100702	4662.288	4134.368	6799.260
	0004_100702	4662.288	4142.828	6776.188
	0004_100702	4669.860	4143.227	6799.650
MEAN	4664.843	4142.242	6787.689	
SD	6.246	4.204	3.908	
NRSD	0.093	0.111	0.147	



Validación y apoyo

Proveemos Certificados de Validación, Manuales, y documentos de Cualificación de Instalación en todas las opciones. También ofrecemos servicios adicionales de consulta en forma de documentos de validación y Aceptación de Usuario y pruebas de software.

H&A Scientific, Inc. desarrolla, manufactura, y vende sistemas de computación de calidad para la captura, procesamiento y manejo de datos científicos.



H&A Scientific, Inc, continuamente mantiene y mejora su programa establecido de Control de Calidad que está diseñado para cumplir siempre con los requisitos de las Buenas Prácticas de Manufactura (GMPs) de la FDA.

Contáctenos para un CD de demostración gratis



Para más información, Por favor visite nuestro portal en el web www.hascientific.com o comuníquese con:

Daniel Robinson
Gerente de Desarrollo de Negocios
PO Box 8133, Greenville, NC 27835
Ph: +1.252.752.4315 ext. 204; Fax: +1.252.752.9917
Correo electrónico: dan@hascientific.com

Apoyo en Europa
H&A Scientific, Inc.
Mainzer Landstrasse 176
60327 Frankfurt am Main / Alemania
Ph: +49(0)69.97358.261 Fax: +49(0)69.97358.101
Correo electrónico: hainfo@hascientific.de

